SEQUENCE LISTING

<110> Snaidr, Jiri

<120> Method of Detecting Microorganisms in a Sample

<130> 235.017US1

<140> US 10/008,523
<141> 2001-11-07

<150> PCT/EP00/03989
<151> 2000-05-04

<150> DE 19921281.3
<151> 1999-05-07

<150> DE 19936875.9
<151> 1999-08-05

<160> 8

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 1
tcgactgact tcagctcc   18

<210> 2
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 2
gctaactact tctggagc   18

<210> 3
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 3
accctcctct cccggtct   18

```
<210> 4
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer


<400> 4
tggcccaccg gcttcggg                                                        18

<210> 5
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer


<400> 5
gctaactact tctggagc                                                        18

<210> 6
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer


<400> 6
gctgcctccc gtaggagt                                                        18

<210> 7
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer


<400> 7
gcagccaccc gtaggtgt                                                        18

<210> 8
<211> 18
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer
```

<400> 8
gctgccaccc gtaggtgt   18